

СЕКЦИЯ № 2: МЕДИЦИНСКАЯ ИНФОРМАТИКА И ЦИФРОВАЯ МЕДИЦИНА

Сопредседатели: А.В. Лисица, С.А. Румянцев, А.М. Ломоносов

ЗАСЕДАНИЕ 1

ИФМиБ, зал № 2

29 октября, 15:30 – 18:00

10 мин Вступительное слово от сопредседателей секции

25 мин Jun Wang *iCarbonX, China*

DigitalMe – цифровое селфи: как создать индивидуальный аватар?

15 мин Д.И. Курапеев, Н.Э. Звартау, А.О. Конради, Е.В. Шляхто *НМИЦ им. В.А. Алмазова МЗ РФ, Санкт-Петербург, Россия*

Первые результаты применения анализа больших данных для создания технологий "Умной клиники"

15 мин М.В. Иванов, Л.И. Левицкий, А.А. Лобас, Ю.А. Бубис, И.А. Тарасова, Е.М. Соловьева, М.Л. Придатченко, М.В. Горшков *Институт энергетических проблем химической физики им. В.Л. Тальрозе РАН, Москва, Россия*

Идентификация, валидация, количественное профилирование: биоинформатические ресурсы открытого кода для работы с протеомными данными

15 мин П.Г. Лохов, А.В. Лисица, А.И. Арчаков *НИИ биомедицинской химии им. В.Н. Ореховича, Москва, Россия*
Цифровая прецизионная диагностика заболеваний на основе метаболомного анализа крови

15 мин А.С. Ракитько^{1,2}, И.И. Низамутдинов¹, А.У. Елмуратов^{1,4}, Я.В. Попов¹, Н.А. Слепов^{1,2}, В.В. Ильинский^{1,3,4,5}
¹ООО «Генотек ИТ»; ²Кафедра теории вероятностей, механико-математический факультет, МГУ им. М.В. Ломоносова; ³Российский национальный исследовательский медицинский университет им. Н.И. Пирогова; ⁴НИИ биомедицинской химии им. В.Н. Ореховича; ⁵Институт общей генетики им. Н.И. Вавилова РАН, Москва, Россия

Поиск генетических ассоциаций на основе открытых и анкетных данных

15 мин Т.В. Пырков¹, К. Слипенский², М. Барг², А. Кондрашин², Б. Журов¹, А. Зенин¹, М. Пятницкий¹, Л.И. Меньшиков¹, С. Марков², П.О. Федичев^{1,3} ¹ООО «Геро», Москва; ²ActiveBusinessCollection LLC (Sberbank group), Москва; ³Московский физико-технический институт (государственный университет), Московская область, Россия

Оценка параметров старения организма с помощью носимой электроники

15 мин К. Бабалян, Р. Султанов, Э.В. Генерозов, Е. Шарова, Е. Кострюкова, А. Ларин, А. Каныгина, Г. Арапиди *ФНКЦ физико-химической медицины ФМБА России, Москва, Россия*

Широкогеномный анализ вариабельности профилей метилирования ДНК для задачи поиска сигнатур биомаркеров на примере рака предстательной железы

15 мин А.А. Буздин *Институт биоорганической химии им. М.М. Шемякина и Ю.А. Овчинникова РАН, Москва, Россия; Omicsway, Walnut, США*

Предсказание ответа на таргетную терапию на основании продвинутого анализа генной экспрессии в опухолевой ткани: теоретические и клинические аспекты

опухолевой ткани: теоретические и клинические аспекты

10 мин И.В. Ашенбреннер, Л.В. Забарова *АО «БАРС Групп»*

Унифицированная ИТ платформа– основа персонифицированной медицины

СЕКЦИЯ № 2: МЕДИЦИНСКАЯ ИНФОРМАТИКА И ЦИФРОВАЯ МЕДИЦИНА

Сопредседатели: А.В. Лисица, С.А. Румянцев, А.М. Ломоносов

ЗАСЕДАНИЕ 2

ИФМиБ, зал № 2

30 октября, 14:30 – 16:30

- 15 мин** С.А. Лашин^{1,2}, З.С. Мустафин¹, В.И. Замятин^{1,2}, Д.А. Афонников^{1,2}, Ю.Г. Матушкин^{1,2}, Н.А. Колчанов^{1,2} ¹ФИЦ Институт цитологии и генетики СО РАН; ²Новосибирский государственный исследовательский университет, Новосибирск, Россия
Эволюционный анализ и моделирование генных сетей заболеваний человека
- 15 мин** Н.М. Борисов, В.С. Ткачев *Первый Московский государственный медицинский университет им. И.М. Сеченова, Москва, Россия*
Методы машинного обучения для предсказания успешности терапии при переносе данных с клеточных культур на онкологических больных
- 15 мин** Л.И. Левицкий, Ю.А. Бубис, М.В. Иванов, И.А. Тарасова, М.В. Горшков *Институт энергетических проблем химической физики им. В.Л. Тальерозе РАН, Москва, Россия*
Особенности стратегии “открытого” поиска для идентификации пептидов в протеомике без использования молекулярной массы
- 15 мин** А.А. Кожевин, Д.А. Подвизников, Р.Л. Худорожков *Газпром-нефть, Москва, Россия*
Медицина, искусственный интеллект и открытый исходный код
- 15 мин** А.Ф. Топунов¹, О.В. Космачевская¹, Э.И. Насыбуллина¹, В.Г. Никитаев², К.И. Ключев³, В.Н. Блиндарь⁴
¹Институт биохимии им. А.Н. Баха, ФИЦ «Фундаментальные основы биотехнологии» РАН; ²Национальный исследовательский ядерный университет «МИФИ»; ³Научно-производственный центр автоматизации и приборостроения им. Н.А. Пилюгина; ⁴НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина, Москва, Россия
Разработка компьютерной экспертной системы для диагностики анемий и гемоглобинопатий
- 15 мин** М.А. Золотовская¹, М.И. Сорокин^{2,3} ¹ООО «Онкобокс», Москва, Россия; ²Первый Московский государственный медицинский университет им. И.М. Сеченова, Москва, Россия; ³OmicWay Corp., Walnut, CA, США
Мутационная нестабильность молекулярных путей – новое семейство мощных биомаркеров развития и успешности терапии онкозаболеваний
- 10 мин** Н.А. Кулемин *ФНКЦ физико-химической медицины ФМБА России, Zenote.io LTD, Москва, Россия*
Децентрализованная платформа для хранения, обработки и обмена генетическими данными на основе технологий