

ЦИФРОВЫЕ ТЕХНОЛОГИИ В БИМЕДИЦИНЕ. БИОИНФОРМАТИКА, МОЛЕКУЛЯРНОЕ МОДЕЛИРОВАНИЕ, ИСКУССТВЕННЫЙ ИНТЕЛЛЕКТ, МАШИННОЕ ОБУЧЕНИЕ

1 ноября, 14:10 – 16:10

Зал «Потемкин»

Сессия 1

Председатель: В.В. Поройков

- 25 мин **М.Г. ХРЕНОВА**, А.В. Кривицкая, А.М. Егоров *МГУ им. М.В. Ломоносова, Москва*
Методы искусственного интеллекта для изучения механизмов работы медицински значимых белков с атомарным разрешением
- 25 мин **А.В. ГОЛОВИН** *Факультет биоинженерии и биоинформатики МГУ им. М.В. Ломоносова, Москва*
Машинное обучение и физические методы в дизайне ферментов
- 25 мин **М. ПЕТУХОВ**¹, Н. Борущко¹, С. Панасенко^{1,2} *¹Петербургский институт ядерной физики, НИЦ «Курчатовский институт», Гатчина; ²Санкт-Петербургский политехнический университет Петра Великого, Санкт-Петербург*
Сравнительный анализ нежелательного связывания лекарственно-подобных органических соединений и дипептидов с глобулярными белками
- 25 мин **Д.А. КАРАСЕВ**, Б.Н. Соболев, С. Каримова, Д.А. Филимонов, О.А. Тарасова *НИИ биомедицинской химии им. В.Н. Ореховича, Москва*
Компьютерный поиск низкомолекулярных соединений, направленных на вирусные белки с неизвестным спектром лигандов
- 20 мин **К.Д. БАЛБЕК** *НИИ системной биологии и медицины Роспотребнадзора, Москва; Московский физико-технический институт (национальный исследовательский университет), Долгопрудный*
Прогнозирование медицинских лабораторных анализов с использованием больших языковых моделей для улучшения скрининга депрессии

ЦИФРОВЫЕ ТЕХНОЛОГИИ В БИМЕДИЦИНЕ. БИОИНФОРМАТИКА, МОЛЕКУЛЯРНОЕ МОДЕЛИРОВАНИЕ, ИСКУССТВЕННЫЙ ИНТЕЛЛЕКТ, МАШИННОЕ ОБУЧЕНИЕ

1 ноября, 16:30 – 18:30

Зал «Потемкин»

Сессия 2

Председатель: М.Г. Хренова

20 мин **Е.В. ИЛЬГИСОНИС**, А.А. Ключникова, А.С. Козлова, Е.В. Сарыгина, Е.А. Пономаренко
НИИ биомедицинской химии им. В.Н. Ореховича, Москва

Использование машинного обучения для исследования протеомики рака яичника

20 мин **Т.С. УСЕНКО** *НИЦ «Курчатовский институт» – ПИЯФ, Гатчина*

Кольцевые РНК в патогенезе болезни Паркинсона, ассоциированной с мутациями в гене GBA1 на основе анализа транскриптома первичной культуры макрофагов периферической крови

20 мин **В.А. КАНВЕВА**, К.М. Климина, Е.И. Олехнович *ФНКЦ физико-химической медицины им. Ю.М. Лопухина ФМБА, Москва*

Поиск универсальных метагеномных маркеров микробиоты кишечника, ассоциированных с ответом на иммунотерапию различных видов рака

20 мин **К.М. ШЕСТАКОВА**, А.А. Болдин, П.М. Резванов, С.А. Апполонова *Сеченовский Университет, Москва*

Цифровая платформа для работы с целевыми метаболомными данными «Metaboscan AI»: контроль качества, первичная обработка, визуализация, анализ и систематизация

20 мин **Д.В. КРИВОНОС**, Д.Е. Федоров, Д.Н. Конанов, А.В. Введенский, И.В. Сонец, Е.В. Корнеенко, А.С. Сперанская, Е.Н. Ильина *НИИ системной биологии и медицины Роспотребнадзора, Москва*

Pike: инструмент для ампликоновой метагеномики Oxford Nanopore

20 мин **О.М. КУЛИКОВА**, И.И. Новикова *Новосибирский научно-исследовательский институт гигиены Роспотребнадзора, Новосибирск*

Инновационный подход к оценке рабочей позы обучающихся с применением технологий компьютерного зрения